

Site 1

Species 1:

ATGGTAGGCACTGCCCTCAGCCTATTAATCCGCGCGGAGTTAGGCCAACCCGGTGCCCTGCTAGGG
GATGACCAAATTTACAATGTTATTGTCACCGCCCACGCATTTGTAATAATTTTCTTCATAGTCATGC
CAATCATGATCGGAGGGTTTGGAAACTGACTGGTACCCCTAATAATTGGTGCACCCGACATAGCAT
TCCCACGAATAAATAACATAAGCTTCTGACTTTTACCTCCGTCCTTCCTTCTCCTCCTGACCTCCTC
TATGGTAGAAGCGGGTGCAGGGACAGGGTGAACGTATACCCCCCTCTAGCAGGAAACCTAGCACATG
CAGGAGCATCGGTAGACCTGACAATTTTTTCTCTCCACTTAGCAGGTGTCTCATCCATCCTAGGGGC
CATCAACTTTATTACTACCATTATCAATATAAAACCCCCCTGCAATATCACAATACCAAACCTCCCCTGT
TTGTGTGATCTGTCCTAATCACAGCCGTACTCTTACTCTTATCTCTACCAGTCCTGGCAGCCGGAATTAC
CATGCTACTCACAGATCGAAACCTGAACACCACCTTTTTTGATCCGGCTGGAGGAGGAGACCCCATTTCTG
TATCAACATTTATTCTGATTTTTTGTCC

Species 2:

TTTATATCTAATCTTCGGAGCATGAGCCGGCATAATTGGAACCGCCCTAAGCCTACTCATC
CGAGCTGAACTTGGACAACCAGGGACGCTCCTAGGAGACGACCAAATCTACAATGTGATTGT
TACTGCCCATGCCTTCGTAATAATCTTTTTTATAGTAATACCGATCATAATCGGAGGATTCGGAATT
GACTAGTCCCACTCATAATTGGTGGCCCGAGACATAGCATTTCCGCGCATGAATAATATAAGCTTCT
GACTTCTCCCGCCATCATTCATACTTCTTCTAGCCTCATCCACAGTTGAAGCAGGAGCAGGTACAG
GTTGAACAGTTTACCCCCCATTAGCCGGTAACCTAGCTCATGCCGGAGCTTCAGTAGACCTAGC
TATCTTCTCCCTCCACCTAGCGGGTGTATCCTCTATCCTGGGGGCAATTAACCTTCATCACAACCGC
TATCAACATAAAACCCCCAGCCCTATCACAGTATCAAACCTCCCTTATTCGTATGATCCGTCCTAAT
TACTGCCGTCCTACTCCTACTCTCACTTCCAGTCCTCGCCGCAGGCATCACAATACTACTAACT
GATCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCCGGAGGCGGAGACCCAGTCCTCTACCAACATCTCT
TCTGATTCTTTGGCCACCCAGAAGTCTACATCCTAATTCTC

Species 3:

AATCATAATTGGAGGCTTTGGCAACTGACTAGTACCTCTCATAATCGGAGCCCCAGACATAGCAT
TTCCTCGAATAAACACATAAGCTTCTGACTCCTTCCCCCTCCTTCCTACTGCTCCTAGCATCCTC
CATAGTAGAGGCAGGAGCAGGTACAGGTTGAACAGTCTATCCCCCACTAGCCGGCAACCTAGCACAG
CAGGTGCTTCAGTAGACCTAGCCATCTTCTCCCTCCACTTAGCAGGAGTCTCATCTATCCTAGGCGC
CATCAACTTCATTACAACCTGCCATCAACATAAAACACCAGCCCTGTCCCAATACCAAACCCCTCTAT
TCGTATGATCCGTCCTCATCACCGCCGTTCTACTACTACTATCCCTCCCCGTCCTTGCTGCTGGCATTAC
CATGCTACTTA

Species 4:

TCTATACCTTATCTTCGGGGCATGAGCCGGAATAATTGGCACAGCACTCAGCCTACTGATCCG
GGCAGAACTAGGCCAGCCAGGGACCTCCTGGGCGACGACCAAATTTATAACGTGATCGTCAC
CGCTCACGCCTTCGTAATAATCTTCTTCATGGTAATGCCATCATAATTGGAGGGTTTCGGCAACT
GATTGGTCCCCCTGATAATCGGTGCCCCGACATAGCATTTCCACGAATAAACACATAAGCTTCT
GACTCCTCCCACCATCATTCCTCCTTCTACTCGCCTCATCCACTGTAGAAGCTGGCGCTGGTACG
GGTTGAACCGTATACCCACCTCTAGCAGGCAACCTAGCCCACGCCGGAGCCTCAGTGGACCTGGC
TATCTTCTCACTTCACCTGGCTGGTGTCTCCTCCATCCTCGGAGCCATTAACCTTCATTACCACAGC
CATCAACATAAAACCCCCCGCACTCTCACAATACCAAACCCCACTTTTTCGTCTGATCAGTCCTAAT
TACCGCCATCCTGCTCCTCCTATCACTCCCCGTCCTCGCCGCCGGCATCACAATGCTACTAACCGAC
CGAAACCTAAACACCACATTCTTTGATCCTGCCGGAGGGGGAGACCCAATCCTGTACCAACACCTATTTT
GATTCTTCGGCCACCCAGAAGTCTATATCTTAATCCTC

Site 1

Species 5:

AGCCCTAAGCCTACTTATTCGGGCAGAACTAAGCCAACCCGGCACCCCTCCTGGGAGATGACCAGAT
TTATAATGTCATTGTCAGTCCACGCATTTCGTAATAATTTTCTTTATGGTCATACCCATTCTAATTG
GAGGCTTTGGAACTGACTAGTCCCGCTGATGATTGGAGCCCCCTGACATACCCTTCCCCCGAATAAA
CAACATAAGCTTTTGACTGCTGCCCCCATCCTTTTTTCTCCTCCTGGCTTCTTCCACAGTCGAAGCCG
GGGCGGGGCACAGGCTGAACAGTTTACCCCCCATTAGCTGGTAACCTAGCCACGCAGGCCCATCAG
TAGATCTAGCCATCTTCTCACTACACCTGGCCGGAGTATCGTCCATCCTAGGGGCCATCAATTTTAT
CACAACAATTATTAATAATAAAACCTGCCTCCACAACAATAACCAAACACCCCTCTTTGTTTGATC
CGTGCTAATTACTGCTGTTCTCCTTCTACTCTCCCTCCAGTCCTAGCCGCTGGGATCACTATACTCCT
CACAGACCGAAATCTAAACACCACCTTCTTTG

Species 6:

CTTGTAATTTGGTGCCCTGAGCCGGAATAGTGGGGACTGCCCTAAGCCTCCTTATTCGGGC
CGAACTAAGCCAACCCGGGTCACTCTTAGGCGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTTAC
CGCCACGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCAATTCTTATTGGTGGATTTCGGCAACT
GACTCGTCCCACTAATAATTGGTGCACCTGACATAGCATTCCCACGAATAAATAATATGAGCTTCT
GACTTCTCCCCCATCATTCCTGTTATTATTAGCCTCTTCTGGTGTTGAGGCCGGTGCCGGAACGGGGT
GAACAGTATACCCGCCTCTTGCAGGTAACCTCGCTCACGCCGGGGCATCAGTAGATTTAACAATCTTCT
CACTTCACCTGGCAGGTGTATCATCAATTTTAGGGGCAGTCAATTTCACTACTACAATTATTAATAT
GAAACCCCCAGCCATCTCCCAGTATCAAACACCTCTCTTTGTATGAGCCGTACTAGTAACAGCCGTCCT
TCTCCTTCTATCATTACCAGTGCTGGCTGCCGGAATTACAATGCTTCTTACAGATCGTAATCTTAATACT
ACATTCTTCGATCCAGCAGGAGGAGGAGACCCAATCCTATATCAGCACTTATTC

Species 7:

AACTTTATATTTTATTTTGGTACTTGAGCTGGTATAGTGGGAACTTCTCTAAGAATAATTATTCGG
GTTGAATTAGGTCAACCTGGAAGATTAATTGGAGATGATCAAATTTATAATGTTGTAGTCACGGCA
CATGCTTTTGTATATAATTTTTTTTATAGTTATGCCAATTATAATTGGAGGATTTGGTAATTGATTAAT
TCCTTTAATATTAGGGGCCCTGATATAGCATTTCTCGTATAAATAATATAAGATTTTGATTACTTC
CATTTTCTTTAACTTTATTATTAAGTAGAGGAATAGTTGAAAGAGGAGTGGGTACTGGATGAACTGT
TTATCCTCCTCTAGCAGCGGCTATTGCTCATGCAGGGGCTTCTGTTGATTTAGGAATTTTTTCACT
TCATTTAGCGGGTGTTTCTTCTATTTTAGGGGCTGTAAATTTTATAACTACAGCTATTAATATACGAA
GGGTAGGTATAACTATAGATCGAATACCTTTATTTGTATGATCTGTATTTATTACAGCAGTCCTTTTAT
TATTATCTCTACCTGTTTTAGCAGGGGCTATTACTATATTATTAACAGATCGTAATTTAAATACCTCT
TTTTTTGATCCAGCTGGAGGGGGTGACCCAATTCTTTATCAACATTTATTT

Site 1

Species 8:

AATTTATAATGTAATTGTCACCTGCTCACGCATTCGTTATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCAT
 GATTGGAGGGTTTGGAACTGACTAGTACCACTAATATTAGGTGCACCAGATATGGCTTTCCCTCGAT
 TAAATAACATAAGCTTTTGACTTCTACCACCCTCATTTACCCTTCTTTTGGCAAGTAGAATAGTTGAAA
 GAGGGGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCTTTAGCTGGTGCCATCGCCCATGCTGGAGCGTCT
 GTAGACCTAACCATTTTTTCGCTACATCTTGCAGGAGTATCATCAATTTTGGGAGCAATTAATTTTAT
 TACTACAGTAATTAATATAAAATCTCCTGGTATAAAATTGGATCAGATACCACTATTCGTATGAGCG
 GTAGTAATTACTGCAGTACTACTTCTTGTCACTACCTGTTCTGGCTGGAGCTATCACCATATTAT
 TAACCGATCGAAATATTAATACATCATTTCTTTGATCCAGCTGGGGGAGGAGACCCTATTCTTTATCAA
 CACTTATTCTGGTTTTTTCGGGCACCCTGAAGTATACATTTTAATTTTGCCTGGTTTTCGGAATAATTTCT
 CATATTATTACACAAGAAAGAGGTAAAAAGGAAACATTTGGAGTACTTGGTATAATTTATGCTATAG
 TAGCTATTGGAATTTTAGGTTTTGTGTATGAGCACATCACATATTTACAGTAGGTATAGATGTAGAT
 ACTCGTGCATACTTCACCTCTGCCACAATGGTAATTGCTGTACCAACGGGAATCAAGATTTTTTAGAT
 GATTGGCTACACTTCATGGCACTCAATTCTCTTATAGCCCATCACTATTATGGGCATTAGGATTTGTAT
 TCTTATTTACCATTGGGGGTTTAACAGGTGTTGTATTAGCAAACCTCATCAATTGATATTGCTTTACACAA
 CACATACTATGTCGTGGCTCATTTTCACTATGTACTATCAATAGGTGCTGTGTTTGTATTATAGGAGG
 GTTAGTTCCTGATTCTCCCTATTTACCGGAGTTAGCTTAAATAGATATTTATTAAAGGTACAATTTCT
 TATTATGTTTATTGGGGTGAATTTAACATTTTCCCCCAACATTTCTTAGGTTTAAGA

Species 9:

GGAATGGTAGGGACCGCCCTAAGCCTTCTTATTCGGGCCGAGCTAAGCCAGCCTGGGTCACCTTTTAGGT
 GACAGCCAAATTTATAATGTTATTGTTACCGCCCATGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTCATGC
 CAATTCTTATTGGCGGATTTGGAACTGACTTGTACCTTTAATAATTGGTGCACCTGACATAGCCT
 TTCCCCGAATAAATAATATAAGCTTTTGACTTCTACCCCATCATTCCTTCTTCTACTGGCTTCTTCT
 GGTGTCGAGGCTGGGGCCGGGACAGGTGTAACCGTATATCCACCCCTCGCAGGCAACCTTGCCCATG
 CAGGTGCGTCAGTAGATCTTACGATCTTCTCGCTTCATCTAGCAGGTGTGTCGTCAATTTTAGGGG
 CAGTCAACTTTATTACTACAATTATTAATATGAAACCCCCAGCCATCTCCCAGTATCAAACCCCTCTCT
 TCGTGTGGGCCGTGCTCGTAACAGCCGTCTACTCCTATTATCTCTGCCAGTATTAGCCGCCGGGATTA
 CAATGCTTCTTACAGATCGTAATCTAAATACCACATTCTTTGACCCTGCGGGAGGAGGAGACCCAAT
 TTTATATCAACACCTC