

Site 3

Species 1:

TGATATAGCATTTCCACGAATAAATAATATAAGCTTCTGACTTCTACCCCCCTCTTTCCTTCTCCT
TTTAGCTTCCTCAATGGTAGAGGCAGGCGCAGGAACAGGATGAACCGTTTATCCTCCCTTAGCAG
GAAACCTAGCACACGCAGGAGCATCCGTAGACCTAGCAATTTTCTCCCTACACTTAGCAGGAATTTTCATC
TATTCTAGGGTCTATCAACTTTATCACTACTATTATTAACATAAAACCTCCCGCTATATCACAATAC
CAAACCCCCTTATTCGTATGATCTGTCTTAGTTACAGCTGTATTACTACTTCTATCCTTGCCAGTCCTAG
CAGCAGGTATTACTATGTTACTCACGGACCGCAATCTGAATACTACTTTCTTTGACCCAGCCGG

Species 2:

TTCATAAACCGTTGACTCTTTTCAACTAACCACAAAGATATCGGAACCCTCTACCTATTATTTGG
GGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCTTTAAGTATTCTAATTCGAGCTGAACTAGGGCAGCCAGGTG
CACTCCTAGGAGATGACCAAATCTATAATGTCATCGTCACAGCCCATGCATTCGTAATAATTTTCT
TTATAGTAATACCTATAATAATTGGAGGCTTCGGAAACTGACTTGTCCCACTAATAATTGGAGCCCCT
GATATAGCATTTCCACGAATAAATAACATAAGCTTTTGACTGCTTCCTCCATCGTTTCTACTCCT
TTTAGCATCCTCCATAGTAGAAGCTGGAGCTGGAACAGGATGAACAGTATATCCCCCCTTAGCCG
GAAACCTAGCCCATGCTGGAGCATCCGTAGATTTAACTATTTTTTCCCTCCACCTAGCCGGGGTGTCT
TCTATCTTAGGAGCTATCAACTTTATCACCCTATCATTAATATAAAACCCCCTGCTATAACCCAATAT
CAAACACCTCTCTTTGTATGATCCGTACTAATTACAGCCGTCCTACTACTTCTCTACTGCCAGTATTAG
CAGCAGGTATCACTATACTCCTTACAGACCGAAATCTAAATACTACTTTCTTCGACCCCGCTGGAGGTG
GAGACCCAATTCTTTATCAACACCTATTC

Species 3:

AACTTTATATTTTATTTTTTGGTACTTGAGCTGGTATAGTGGGAACCTTCTCTAAGAATAATTATTCGG
GTTGAATTAGGTCAACCTGGAAGATTAATTGGAGATGATCAAATTTATAATGTTGTAGTCACGGCA
CATGCTTTTGTATATAATTTTTTTTATAGTTATGCCAATTATAATTGGAGGATTTGGTAATTGATTAAT
TCCTTTAATATTAGGGGGCCCCTGATATAGCATTTCCCTCGTATAAATAATATAAGATTTTGATTACTTC
CATTTTCTTTAACTTTTATTATTAAGTAGAGGAATAGTTGAAAGAGGAGTGGGTACTGGATGAACTGT
TTATCCTCCTCTAGCAGCGGCTATTGCTCATGCAGGGGCTTCTGTTGATTTAGGAATTTTTTCACT
TCATTTAGCGGGTGTTTCTTCTATTTTAGGGGCTGTAAATTTTATAACTACAGCTATTAATATACGAA
GGGTAGGTATAACTATAGATCGAATACCTTTATTTGTATGATCTGTATTTATTACAGCAGTCCTTTTAT
TATTATCTCTACCTGTTTTAGCAGGGGCTATTACTATATTATTAACAGATCGTAATTTAAATACCTCT
TTTTTTGATCCAGCTGGAGGGGGTGACCCAATTCTTTATCAACATTTATTT

Site 3

Species 4:

AATTTATAATGTAATTGTCACTGCTCACGCATTCGTTATAATTTTCTTTATAGTAATACCTATCAT
GATTGGAGGGTTTGGAACTGACTAGTACCACTAATATTAGGTGCACCAGATATGGCTTTCCCTCGAT
TAAATAACATAAGCTTTTGACTTCTACCACCCTCATTTACCCTTCTTTTGGCAAGTAGAATAGTTGAAA
GAGGGGCAGGAACAGGATGAACTGTTTACCCTCCTTTAGCTGGTGCCATCGCCCATGCTGGAGCGTCT
GTAGACCTAACCATTTTTTCGCTACATCTTGCAGGAGTATCATCAATTTTGGGAGCAATTAATTTTAT
TACTACAGTAATTAATATAAAATCTCCTGGTATAAAATTGGATCAGATACCACTATTCGTATGAGCG
GTAGTAATTACTGCAGTACTACTTCTCTTGTCACTACCTGTTCTGGCTGGAGCTATCACCATATTAT
TAACCGATCGAAATATTAATACATCATTTCTTTGATCCAGCTGGGGGAGGAGACCCTATTCTTTATCAA
CACTTATTCTGGTTTTTTCGGGCACCCTGAAGTATACATTTTAATTTTGCCTGGTTTTCGGAATAATTTCT
CATATTATTACACAAGAAAGAGGTAAAAAGGAAACATTTGGAGTACTTGGTATAATTTATGCTATAG
TAGCTATTGGAATTTTAGGTTTTGTGTATGAGCACATCACATATTTACAGTAGGTATAGATGTAGAT
ACTCGTGCATACTTCACCTCTGCCACAATGGTAATTGCTGTACCAACGGGAATCAAGATTTTTTAGAT
GATTGGCTACACTTCATGGCACTCAATTCTCTTATAGCCCATCACTATTATGGGCATTAGGATTTGTAT
TCTTATTTACCATTGGGGGTTTAACAGGTGTTGTATTAGCAAACCTCATCAATTGATATTGCTTTACACAA
CACATACTATGTCGTGGCTCATTTTCACTATGTACTATCAATAGGTGCTGTGTTTGTATTATAGGAGG
GTTAGTTCCTGATTCTCCCTATTTACCGGAGTTAGCTTAAATAGATATTTATTAAAGGTACAATTTCT
TATTATGTTTATTGGGGTGAATTTAACATTTTCCCCCAACATTTCTTAGGTTTAAGA

Species 5:

CTTGATTTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGGACTGCCCTAAGCCTCCTTATTCGGGC
CGAACTAAGCCAACCCGGGTCCTTAGGCGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTTAC
CGCCACGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCAATTCCTATTGGTGGATTCGGCAACT
GACTCGTCCCACTAATAATTGGTGCACCTGACATAGCATTCCCACGAATAAATAATATGAGCTTCT
GACTTCTCCCCCATCATTCCTGTTATTATTAGCCTCTTCTGGTGTGAGGCCGGTGCCGGAACGGGGT
GAACAGTATACCCGCCTCTTGCAGGTAACTCGCTCACGCCGGGGCATCAGTAGATTTAACAATCTTCT
CACTTCACCTGGCAGGTGTATCATCAATTTTAGGGGCAGTCAATTTCACTACTACAATTATTAATAT
GAAACCCCCAGCCATCTCCAGTATCAAACACCTCTCTTGTATGAGCCGTACTAGTAACAGCCGTCCT
TCTCCTTCTATCATTACCAGTGCTGGCTGCCGGAATTACAATGCTTCTTACAGATCGTAATCTTAATACT
ACATTCTTCGATCCAGCAGGAGGAGAGACCCAATCCTATATCAGCACTTATTC

Species 6:

TACCTTATCTTCGGGGCATGGGCAGGAATAGTCGGCACCGCACTCAGTCTGTTAATCCGCGCAGAACTAG
GACAGCCAGGAACCTCCTCGGCGACGACCAAATTTACAATGTAATCGTCACCGCCACGCCTTCG
TAATAATTTTCTTCATAGTCATACCCATTATGATCGGAGGGTTTCGGCAACTGACTAGTCCCCCT
CATAATCGGCGCCCCCGACATAGCATTCCCGCGAATGAATAACATAAGCTTCTGACTCCTTCCAC
CATCATTTCTCCTGCTGCTAGCCTCATCTACCGTAGAAGCCGGAGCCGGCACAGGCTGAACTGTC
TACCCACCCCTAGCAGGTAACTGGCCACGCCGGAGCCTCAGTAGACCTAGCCATTTTCTCACTTCACT
TAGCTGGTGTTCCTCCATCCTCGGAGCTATTAACCTTTATTACCACAGCCATCAACATAAAACCCCTG
CACTCTCACAGTACCAAACCCCACTGTTTCGTCTGATCCGTCCTAATTACTGCCATCCTACTACTCCT
GTCACTCCCTGTACTCGCCGCAGGTATCACAATGCTGCTAACCGACCGAAACCTAAACACCACATTCT
TCGACCCAGCTGGAGGAGGAGACCCAATTCTATACCAACACCTATTCTGATTTTTTGGGCACCCAGAA
GTCTATATCCTAATCTTGCCAGGATTTG

Site 3

Species 7:

TCTATACCTTATCTTCGGGGCATGAGCCGGAATAATTGGCACAGCACTCAGCCTACTGATCCG
GGCAGAACTAGGCCAGCCAGGGACCCTCCTGGGCGACGACCAAATTTATAACGTGATCGTCAC
CGCTCACGCCTTCGTAATAATCTTCTTCATGGTAATGCCCATCATAATTGGAGGGTTTCGGCAACT
GATTGGTCCCCCTGATAATCGGTGCCCCCGACATAGCATTCCCACGAATAAACAACATAAGCTTCT
GACTCCTCCCACCATCATTCCTCCTTCTACTCGCCTCATCCACTGTAGAAGCTGGCGCTGGTACG
GGTTGAACCGTATACCCACCTCTAGCAGGCAACCTAGCCCACGCCGGAGCCTCAGTGGACCTGGC
TATCTTCTCACTTCACCTGGCTGGTGTCTCCTCCATCCTCGGAGCCATTAACCTTCATTACCACAGC
CATCAACATAAAACCCCCCGCACTCTCACAATACCAAACCCCACTTTTCGTCTGATCAGTCCTAAT
TACCGCCATCCTGCTCCTCCTATCACTCCCCGTCCTCGCCGCCGGCATCACAATGCTACTAACCGAC
CGAAACCTAAACACCACATTCTTTGATCCTGCCGGAGGGGGAGACCCAATCCTGTACCAACACCTATTT
GATTCTTCGGCCACCCAGAAGTCTATATCTTAATCCTC

Species 8:

TTTATATCTAATCTTCGGAGCATGAGCCGGCATAATTGGAACCGCCCTAAGCCTACTCATC
CGAGCTGAACCTGGACAACCAGGGACGCTCCTAGGAGACGACCAAATCTACAATGTGATTGT
TACTGCCCATGCCTTCGTAATAATCTTTTTTATAGTAATACCGATCATAATCGGAGGATTTCGGAAAT
GACTAGTCCCACCTCATAATTGGTGCCCCAGACATAGCATTTCGCGCATGAATAATATAAGCTTCT
GACTTCTCCCGCCATCATTCATACTTCTTCTAGCCTCATCCACAGTTGAAGCAGGAGCAGGTACAG
GTTGAACAGTTTACCCCCCATTAGCCGGTAACCTAGCTCATGCCGGAGCTTCAGTAGACCTAGC
TATCTTCTCCCTCCACCTAGCGGGTGTATCCTCTATCCTGGGGGCAATTAACCTTCATCACAACCGC
TATCAACATAAAACCCCCAGCCCTATCACAGTATCAAACCTCCCTTATTCGTATGATCCGTCCTAAT
TACTGCCGTCCTACTCCTACTCTCACTTCCAGTCCTCGCCGCAGGCATCACAATACTACTAACT
GATCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCCGGAGGCGGAGACCCAGTCCTCTACCAACATCTCT
TCTGATTCTTTGGCCACCCAGAAGTCTACATCCTAATTCTC

Species 9:

AATCATAATTGGAGGCTTTGGCAACTGACTAGTACCTCTCATAATCGGAGCCCCAGACATAGCAT
TTCCTCGAATAAACAAACATAAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCCTTCTACTGCTCCTAGCATCCTC
CATAGTAGAGGCAGGAGCAGGTACAGGTTGAACAGTCTATCCCCCACTAGCCGGCAACCTAGCACAG
CAGGTGCTTCAGTAGACCTAGCCATCTTCTCCCTCCACTTAGCAGGAGTCTCATCTATCCTAGGCGC
CATCAACTTCATTACAACCTGCCATCAACATAAAACACCAGCCCTGTCCCAATACCAAACCCCTCTAT
TCGTATGATCCGTCCTCATCACCGCGTTCTACTACTACTATCCCTCCCCGTCCTTGCTGCTGGCATTAC
CATGCTACTTA